

Table S1 The details of the CpG regions analyzed in this study.

Gene	Chronosome	TSS	TES	Region	Start	End	Length	Target strand	Distance2TSS
COMT	chr22	19941771	19969975	COMT_1	19941544	19941834	291	+	-227
				COMT_2	19941812	19942067	256	+	41
DRD2	chr11	1.13E+08	113409594	DRD2_1	113474318	113474604	287	+	961
				DRD2_2	113474571	113474844	274	+	708
				DRD2_3	113474819	113475095	277	+	460
				DRD2_4	113475062	113475264	203	+	217
DRD4	chr11	637268	640705	DRD4_1	636284	636572	289	+	-984
				DRD4_2	636817	637068	252	+	-451
				DRD4_3	637264	636985	280	-	-4
				DRD4_4	637534	637302	233	-	266
				DRD4_5	637718	637496	223	-	450
				DRD4_6	637909	637639	271	-	641
				DRD4_7	639307	639508	202	+	2039
				DRD4_8	639689	639922	234	+	2421
				DRD4_9	640387	640668	282	+	3119
DAT	chr5	1445440	1392795	DAT_1	1416896	1416623	274	-	28544
				DAT_2	1430938	1431182	245	+	14502
				DAT_3	1444800	1444538	263	-	640
				DAT_4	1444722	1445021	300	+	718
				DAT_5	1444985	1445176	192	+	455
				DAT_6	1445113	1445364	252	+	327
				DAT_7	1445570	1445848	279	+	-130
				DAT_8	1446013	1446311	299	+	-573
				DAT_9	1446284	1446494	211	+	-844
MAOA	chrX	43654906	43746824	MAOA_1	43654359	43654655	297	+	-547
				MAOA_2	43654965	43655254	290	+	59
				MAOA_3	43655230	43655480	251	+	324
				MAOA_4	43655439	43655672	234	+	533
				MAOA_5	43655946	43656245	300	+	1040
				MAOA_6	43656180	43656424	245	+	1274
MAOB	chrX	43882450	43766609	MAOB_1	43809916	43810170	255	+	72534
				MAOB_2	43810332	43810042	291	-	72118
				MAOB_3	43882138	43882369	232	+	312
				MAOB_4	43882142	43882376	235	+	308
				MAOB_5	43882327	43882614	288	+	123

Note. TSS: The mRNA transcription initiation site; Start: The starting position of the product on the reference genome; End: The end position of the product on the reference genome; Length: the product length; Target strand: The product orientation; Distance2TSS: The distance from the product to the TSS.

Table S2 The details of the CpG sites analyzed in this study.

Gene	Chromosome	Region	Genome position	Distance2TSS
COMT	chr22	COMT_1	19941574	-197
			19941591	-180
			19941593	-178
			19941607	-164
			19941625	-146
			19941628	-143
			19941630	-141
			19941632	-139
			19941644	-127
			19941655	-116
			19941659	-112
			19941661	-110
			19941663	-108
			19941674	-97
			19941676	-95
			19941682	-89
			19941687	-84
			19941707	-64
			19941712	-59
			19941714	-57
			19941717	-54
			19941719	-52
			19941724	-47
			19941731	-40
			19941735	-36
			19941740	-31
			19941747	-24
			19941751	-20
			19941757	-14
			19941763	-8
			19941778	7
			19941783	12
			19941789	18
			19941798	27
			19941804	33
			19941807	36
		COMT_2	19941837	66
			19941840	69
			19941842	71
			19941851	80

			19941854	83
			19941859	88
			19941864	93
			19941876	105
			19941880	109
			19941885	114
			19941888	117
			19941890	119
			19941905	134
			19941917	146
			19941923	152
			19941929	158
			19941933	162
			19941939	168
			19941944	173
			19941994	223
			19941999	228
			19942017	246
			19942034	263
DRD2	chr11	DRD2_1	113474347	932
			113474363	916
			113474368	911
			113474375	904
			113474379	900
			113474390	889
			113474399	880
			113474405	874
			113474408	871
			113474420	859
			113474430	849
			113474457	822
			113474483	796
			113474493	786
			113474516	763
			113474523	756
			113474531	748
		DRD2_2	113474603	676
			113474643	636
			113474653	626
			113474666	613
			113474668	611
			113474675	604
			113474682	597

			113474712	567
			113474727	552
			113474739	540
			113474746	533
			113474752	527
			113474754	525
			113474760	519
			113474763	516
			113474777	502
			113474782	497
			113474784	495
			113474804	475
			113474808	471
			113474812	467
			113474818	461
		DRD2_3	113474844	435
			113474883	396
			113474885	394
			113474896	383
			113474909	370
			113474913	366
			113474916	363
			113474935	344
			113474946	333
			113474950	329
			113474956	323
			113474964	315
			113474978	301
			113475002	277
			113475033	246
			113475046	233
			113475050	229
			113475053	226
			113475062	217
			113475066	213
		DRD2_4	113475091	188
			113475095	184
			113475107	172
			113475110	169
			113475113	166
			113475137	142
			113475140	139
			113475148	131

			113475150	129
			113475152	127
			113475156	123
			113475164	115
			113475171	108
			113475175	104
			113475181	98
			113475193	86
			113475197	82
			113475211	68
			113475217	62
			113475220	59
			113475222	57
			113475225	54
			113475237	42
			113475240	39
DRD4	chr11	DRD4_1	636409	-859
			636436	-832
			636452	-816
			636460	-808
			636482	-786
			636484	-784
			636489	-779
			636502	-766
			636508	-760
			636536	-732
		DRD4_2	636847	-421
			636854	-414
			636859	-409
			636907	-361
			636911	-357
			636918	-350
			636923	-345
			636927	-341
			636931	-337
			636936	-332
			636948	-320
			636954	-314
			636957	-311
			636964	-304
			636966	-302
			636968	-300
			636989	-279

			637006	-262
			637019	-249
			637021	-247
			637028	-240
			637030	-238
			637032	-236
			637035	-233
			637038	-230
			637042	-226
		DRD4_3	637237	-31
			637231	-37
			637226	-42
			637222	-46
			637209	-59
			637203	-65
			637198	-70
			637193	-75
			637176	-92
			637174	-94
			637171	-97
			637163	-105
			637129	-139
			637117	-151
			637111	-157
			637105	-163
			637099	-169
			637096	-172
			637083	-185
			637072	-196
			637058	-210
			637043	-225
			637039	-229
			637036	-232
			637033	-235
			637031	-237
			637029	-239
			637022	-246
			637020	-248
			637015	-253
		DRD4_4	637505	237
			637494	226
			637492	224
			637488	220

			637479	211
			637473	205
			637467	199
			637463	195
			637454	186
			637452	184
			637445	177
			637443	175
			637440	172
			637428	160
			637415	147
			637412	144
			637409	141
			637407	139
			637388	120
			637376	108
			637364	96
			637362	94
			637358	90
			637353	85
			637351	83
			637335	67
			637331	63
			637329	61
		DRD4_5	637689	421
			637673	405
			637668	400
			637666	398
			637663	395
			637654	386
			637640	372
			637632	364
			637611	343
			637607	339
			637603	335
			637599	331
			637597	329
			637587	319
			637578	310
			637571	303
			637542	274
			637539	271
			637535	267

		DRD4_6	637876	608
			637855	587
			637833	565
			637821	553
			637802	534
			637795	527
			637781	513
			637776	508
			637764	496
			637762	494
			637754	486
			637751	483
			637739	471
			637736	468
			637724	456
			637719	451
			637707	439
			637689	421
			637673	405
			637668	400
			637666	398
			637663	395
		DRD4_7	639338	2070
			639389	2121
			639391	2123
			639423	2155
			639426	2158
			639428	2160
			639444	2176
			639446	2178
			639463	2195
			639471	2203
			639474	2206
		DRD4_8	639717	2449
			639720	2452
			639725	2457
			639738	2470
			639740	2472
			639743	2475
			639749	2481
			639752	2484
			639756	2488
			639765	2497

			639774	2506
			639777	2509
			639781	2513
			639783	2515
			639787	2519
			639789	2521
			639795	2527
			639798	2530
			639805	2537
			639817	2549
			639819	2551
			639825	2557
			639836	2568
			639840	2572
			639866	2598
			639893	2625
			639898	2630
			639900	2632
		DRD4_9	640422	3154
			640432	3164
			640446	3178
			640452	3184
			640471	3203
			640479	3211
			640481	3213
			640492	3224
			640495	3227
			640513	3245
			640522	3254
			640534	3266
			640555	3287
			640558	3290
			640565	3297
			640570	3302
			640577	3309
			640589	3321
			640606	3338
			640616	3348
			640620	3352
			640627	3359
DAT	chr5	DAT_1	1416874	28566
			1416869	28571
			1416844	28596

			1416834	28606
			1416819	28621
			1416814	28626
			1416789	28651
			1416764	28676
			1416759	28681
			1416734	28706
			1416724	28716
			1416709	28731
			1416704	28736
			1416695	28745
			1416679	28761
			1416654	28786
		DAT_2	1430971	14469
			1430984	14456
			1431000	14440
			1431019	14421
			1431031	14409
			1431057	14383
			1431059	14381
			1431065	14375
			1431090	14350
			1431108	14332
			1431120	14320
			1431123	14317
			1431128	14312
			1431133	14307
			1431147	14293
			1431154	14286
		DAT_3	1444764	676
			1444750	690
			1444748	692
			1444738	702
			1444717	723
			1444714	726
			1444711	729
			1444703	737
			1444695	745
			1444693	747
			1444686	754
			1444680	760
			1444677	763
			1444664	776

			1444662	778
			1444650	790
			1444648	792
			1444645	795
			1444643	797
			1444632	808
			1444629	811
			1444613	827
			1444604	836
			1444599	841
			1444583	857
			1444577	863
			1444565	875
		DAT_4	1444747	693
			1444749	691
			1444763	677
			1444795	645
			1444805	635
			1444818	622
			1444820	620
			1444836	604
			1444839	601
			1444849	591
			1444857	583
			1444861	579
			1444890	550
			1444892	548
			1444899	541
			1444901	539
			1444905	535
			1444935	505
			1444937	503
			1444947	493
			1444950	490
			1444969	471
			1444973	467
			1444986	454
			1444989	451
		DAT_5	1445015	425
			1445035	405
			1445058	382
			1445060	380
			1445072	368

			1445096	344
			1445113	327
			1445142	298
			1445144	296
			1445149	291
		DAT_6	1445142	298
			1445144	296
			1445149	291
			1445153	287
			1445174	266
			1445180	260
			1445187	253
			1445191	249
			1445198	242
			1445200	240
			1445210	230
			1445222	218
			1445225	215
			1445227	213
			1445234	206
			1445239	201
			1445241	199
			1445261	179
			1445268	172
			1445275	165
			1445283	157
			1445293	147
			1445302	138
			1445311	129
			1445316	124
			1445321	119
			1445327	113
			1445329	111
			1445333	107
			1445336	104
		DAT_7	1445596	-156
			1445602	-162
			1445618	-178
			1445620	-180
			1445625	-185
			1445633	-193
			1445639	-199
			1445646	-206

			1445662	-222
			1445667	-227
			1445670	-230
			1445672	-232
			1445682	-242
			1445686	-246
			1445695	-255
			1445697	-257
			1445713	-273
			1445720	-280
			1445726	-286
			1445730	-290
			1445750	-310
			1445758	-318
			1445767	-327
			1445771	-331
			1445784	-344
			1445799	-359
			1445811	-371
			1445815	-375
			1445821	-381
			1445823	-383
		DAT_8	1446041	-601
			1446046	-606
			1446050	-610
			1446073	-633
			1446081	-641
			1446093	-653
			1446102	-662
			1446108	-668
			1446117	-677
			1446122	-682
			1446128	-688
			1446148	-708
			1446153	-713
			1446172	-732
			1446183	-743
			1446195	-755
			1446206	-766
			1446220	-780
			1446229	-789
			1446233	-793
			1446252	-812

			1446254	-814
			1446256	-816
			1446278	-838
		DAT_9	1446315	-875
			1446328	-888
			1446330	-890
			1446344	-904
			1446347	-907
			1446359	-919
			1446363	-923
			1446370	-930
			1446373	-933
			1446383	-943
			1446393	-953
			1446402	-962
			1446422	-982
			1446430	-990
			1446468	-1028
			1446470	-1030
MAOA	chrX	MAOA_1	43654430	-476
			43654437	-469
			43654442	-464
			43654447	-459
			43654452	-454
			43654457	-449
			43654462	-444
			43654467	-439
			43654477	-429
			43654487	-419
			43654497	-409
			43654507	-399
			43654517	-389
			43654527	-379
			43654537	-369
			43654547	-359
			43654557	-349
			43654567	-339
			43654572	-334
			43654602	-304
			43654611	-295
			43654614	-292
			43654628	-278
		MAOA_2	43655005	99

			43655020	114
			43655035	129
			43655044	138
			43655051	145
			43655076	170
			43655094	188
			43655097	191
			43655103	197
			43655109	203
			43655122	216
			43655133	227
			43655139	233
			43655152	246
			43655163	257
			43655169	263
			43655182	276
			43655193	287
			43655199	293
			43655205	299
			43655209	303
			43655216	310
			43655225	319
			43655229	323
			43655235	329
		MAOA_3	43655258	352
			43655264	358
			43655280	374
			43655301	395
			43655310	404
			43655314	408
			43655326	420
			43655331	425
			43655336	430
			43655342	436
			43655366	460
			43655379	473
			43655385	479
			43655427	521
			43655436	530
		MAOA_4	43655470	564
			43655481	575
			43655492	586
			43655500	594

			43655525	619
			43655535	629
			43655544	638
			43655568	662
			43655603	697
			43655607	701
			43655619	713
		MAOA_5	43655995	1089
			43655997	1091
			43656046	1140
			43656078	1172
			43656081	1175
			43656101	1195
			43656106	1200
			43656129	1223
			43656154	1248
			43656164	1258
			43656170	1264
			43656191	1285
			43656196	1290
			43656209	1303
			43656219	1313
		MAOA_6	43656209	1303
			43656219	1313
			43656238	1332
			43656244	1338
			43656250	1344
			43656259	1353
			43656296	1390
			43656316	1410
			43656327	1421
			43656361	1455
			43656368	1462
			43656370	1464
			43656383	1477
			43656386	1480
			43656392	1486
			43656398	1492
MAOB	chrX	MAOB_1	43809965	72485
			43809969	72481
			43809971	72479
			43809981	72469
			43810009	72441

			43810014	72436
			43810018	72432
			43810025	72425
			43810039	72411
			43810059	72391
			43810070	72380
			43810099	72351
			43810103	72347
			43810111	72339
			43810115	72335
			43810135	72315
		MAOB_2	43810230	72220
			43810222	72228
			43810200	72250
			43810198	72252
			43810192	72258
			43810175	72275
			43810160	72290
			43810136	72314
			43810116	72334
			43810112	72338
			43810104	72346
			43810100	72350
			43810071	72379
		MAOB_3	43882174	276
			43882178	272
			43882185	265
			43882187	263
			43882212	238
			43882216	234
			43882218	232
			43882236	214
			43882244	206
			43882246	204
			43882263	187
			43882275	175
			43882281	169
			43882284	166
			43882302	148
			43882306	144
			43882311	139
			43882333	117
			43882341	109

		MAOB_4	43882174	276
			43882178	272
			43882185	265
			43882187	263
			43882212	238
			43882216	234
			43882218	232
			43882236	214
			43882244	206
			43882246	204
			43882263	187
			43882275	175
			43882281	169
			43882284	166
			43882302	148
			43882306	144
			43882311	139
			43882333	117
			43882341	109
		MAOB_5	43882383	67
			43882387	63
			43882395	55
			43882398	52
			43882408	42
			43882410	40
			43882419	31
			43882429	21
			43882434	16
			43882437	13
			43882442	8
			43882459	-9
			43882467	-17
			43882471	-21
			43882473	-23
			43882481	-31
			43882485	-35
			43882489	-39
			43882495	-45
			43882497	-47
			43882508	-58
			43882517	-67
			43882528	-78
			43882534	-84

			43882538	-88
			43882559	-109
			43882568	-118
			43882580	-130

Note. Distance2TSS: The distance from the product to the TSS.